

## **10h00-10h15: Accueil Auditorium de la Grande Galerie de l'évolution**

### **Session 1 : Approches RAD, méthodologie**

**10h15-10h40 Régis Débruyne** Portrait de famille du RADseq: cohérence globale et singularités.

**10h40-11h05 Olivier Lepais** Planification d'expérience RADseq : approche par simulation.

**11h05-11h20 Sylvain Charlat** How and how much does RAD-seq bias genetic diversity estimates?

**11h20-11h45 Stéphanie Mariette** How much can we trust in in silico detected RADseq loci and SNPs?

### **11h45-12h05 : PAUSE CAFE**

### **Session 2 : Génomique des populations, adaptation**

**12h05-12h30 Pierre-Alexandre Gagnaire** Histoire évolutive de la divergence éco-phénotypique parallèle entre paires d'écotypes d'une même espèce.

**12h30-12h55 Charles Perrier** RAD-sequencing to investigate population genomics, selection footprints and architecture of heritable traits in great and blue tits in heterogeneous habitats.

**12h55-13h20 Nadir Alvarez** HyRAD: un nouvel horizon génomique pour l'étude de l'ADN historique et ancien, combinant RAD sequencing et capture par hybridation.

### **13h20-14h30 : DEJEUNER (Cantine MNHN)**

### **Session 3 : Phylogénomique**

**14h30-14h55 Gontran Sonet** Phylogénie et délimitation d'espèces du complexe d'escargots terrestres *Pyramidula* par l'analyse de données RADseq.

**14h55-15h10 Carole Kerdelhué** Différentiation allochronique d'une population de processionnaire du pin à cycle décalé: contexte phylogénétique et histoire démographique révélés à l'aide de marqueurs RADseq.

**15h10-15h25 Charles Pouchon** Apport et Comparaison de données génomiques issues de NGS (Shotgun vs ddRADseq) dans l'inférence phylogénétique chez les Rosettes Géantes des paramos.

**15h25-15h40 Amélia Viricel** Should we pursue RAD sequencing for phylogenomics? A review of the literature.

### **15h40-16h10 : PAUSE CAFE**

### **Session 4 : Hybridation**

**16h10-16h35 Thibaut Capblancq** Hybridation et diversification chez des papillons alpins.

**16h35-16h50 Claire Daguin Thiebaut** Développement d'outils génomiques RADseq pour l'étude des flux de gènes intra- et interspécifiques chez les espèces marines.

**16h50-17h05 Jean-Yves Rasplus** When recurrent hybridization obscures phylogenetic hypotheses, the case of *Chrysocarabus* beetles.

### **17h05-17h15 : Mots de clôture GDR et MNHN**

**17h15 : FIN**